

<<基因组学>>

图书基本信息

书名：<<基因组学>>

13位ISBN编号：9787030333780

10位ISBN编号：7030333780

出版时间：2012-3

出版时间：科学出版社

作者：（英）斯塔基 等著，于军 主译

页数：287

字数：425000

译者：于军

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<基因组学>>

内容概要

本书主要阐述了基因组学及其衍生学科的各种关键技术，涉及内容广泛，涵盖实验手段和计算机模拟等方法。

尤其是其中的实验方法，都是依据专家撰写的实验报告而建立的，并来自于实验室里应用新技术进行研究的第一线数据。

特点是实用性强、可靠性强、专业指导性强，非常适合于从事基因组学及其在生命科学领域的各个衍生学科研究的研究生和青年学者阅读。

读者不仅可以在这里了解到实验技术的详细步骤，还可以掌握实验技术的根本思想和原理，有助于进一步提出其他的替代方法。

<<基因组学>>

书籍目录

《新生物学丛书》丛书序

译者前言

前言

1 基因拷贝数量变化的高精度分析

1.1 简介

1.2 方法和途径

1.2.1 寡核苷酸比较基因组杂交(aCGH)芯片

1.2.2 单核苷酸多态性比较基因组杂交(aCGH)芯片

1.2.3 多重连接探针扩增

1.3 疑难解答

参考文献

2 遗传图谱中的多态性标记识别

2.1 简介

2.2 方法和途径

2.2.1 基因变异的知识库

2.2.2 基因变异的靶向重测序

2.3 疑难解答

2.3.1 引物设计

2.3.2 PCR扩增

2.3.3 二进制文件的使用

2.3.4 Phred / Phrap软件

参考文献

3 基于SNP芯片的基因分型和杂合性缺失分析

3.1 简介

3.2 方法和途径

3.2.1 芯片

3.2.2 基因分型

3.2.3 连锁关联分析

3.2.4 甲醛固定石蜡包埋组织

3.2.5 杂合性缺失

3.3 疑难解答

参考文献

4 复杂性状的基因定位

4.1 简介

4.2 方法和途径

4.2.1 关联分析方法：随机样本

4.2.2 关联方法：基于家系样本

4.2.3 连锁分析：使用LOD值作为参数的分析方法

4.2.4 连锁分析：非参数方法

4.2.5 总结

4.3 疑难解答

4.3.1 合并数据集

参考文献

5 针对单细胞敏感性的RNA扩增技术

5.1 简介

<<基因组学>>

- 5.1.1 RNA扩增的目的
- 5.1.2 扩增的方法
- 5.2 方法和途径
 - 5.2.1 T7RNA聚合酶的体外转录
 - 5.2.2 全局RT-PCR
- 5.3 疑难解答
- 参考文献
- 6 表达谱分析的实时定量聚合酶链反应技术
- 7 哺乳动物细胞中的基因表达
- 8 酵母双杂交在分析大量蛋白质相互作用中的应用
- 9 蛋白质功能预测
- 10 通过基因工程小鼠阐释基因功能
- 11 基因转移的载体系统
- 12 基因治疗策略：构建AAV特洛伊木马
- 13 蛋白质组学技术简介
- 索引
- 彩版

<<基因组学>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>