

<<生物统计及生物信息学前沿>>

图书基本信息

书名：<<生物统计及生物信息学前沿>>

13位ISBN编号：9787312022289

10位ISBN编号：7312022286

出版时间：2009-2

出版时间：中国科学技术大学出版社

作者：马双鸽，王跃东 主编

页数：280

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<生物统计及生物信息学前沿>>

前言

大学最重要的功能是向社会输送人才。

大学对于一个国家、民族乃至世界的重要性和贡献度，很大程度上是通过毕业生在社会各领域所取得的成就来体现的。

中国科学技术大学建校只有短短的五十年，之所以迅速成为享有较高国际声誉的著名大学之一，主要就是因为她培养出了一大批德才兼备的优秀毕业生。

他们志向高远、基础扎实、综合素质高、创新能力强，在国内外科技、经济、教育等领域做出了杰出的贡献，为中国科大赢得了“科技英才的摇篮”的美誉。

2008年9月，胡锦涛总书记为中国科大建校五十周年发来贺信，信中称赞说：半个世纪以来，中国科学技术大学依托中国科学院，按照全院办校、所系结合的方针，弘扬红专并进、理实交融的校风，努力推进教学和科研工作的改革创新，为党和国家培养了一大批科技人才，取得了一系列具有世界先进水平的原创性科技成果，为推动我国科教事业发展和社会主义现代化建设做出了重要贡献。

据统计，中国科大迄今已毕业的5万人中，已有42人当选中国科学院和中国工程院院士，是同期（自1963年以来）毕业生中当选院士数最多的高校之一。

其中，本科毕业生中平均每1000人就产生1名院士和七百多名硕士、博士，比例位居全国高校之首。

还有众多的中青年才俊成为我国科技、企业、教育等领域的领军人物和骨干。

在历年评选的“中国青年五四奖章”获得者中，作为科技界、科技创新型企业界青年才俊代表，科大毕业生已连续多年榜上有名，获奖总人数位居全国高校前列。

<<生物统计及生物信息学前沿>>

内容概要

作为现代科学的一个重要分支，生物统计和生物信息学运用统计、数学和计算机科学的方法研究生物及医学问题。

在本书中，收录了15篇文章介绍生物统计和生物信息学中统计方法的最新进展。

由于篇幅有限，着重介绍了高维数据分析方法及其应用。

和统计学的其他分支相比，高维数据分析方法及其应用还处在相对初级阶段，希望本书的出版能够推动此方向的研究。

书籍目录

Preface to the USTC Alumni's Series From the Editors Shuangge Ma & Yuedong Wang Preface Shaw-Hwa Lo
Section Statistical Genetics Linkage Analysis with Mixed Sample of Affected Full and Half Sib Pairs in the Presence of Uncertain Relationship Sequential Importance Sampling with Resampling in Molecular Population Genetics Multiple-trait Quantitative Trait Loci Mapping Using Stochastic Search Variable Selection Section
Statistical Analysis of Microarray Data Statistical Analysis of Microarray Time Course Gene Expression Data with Functional Hierarchical Models A Nonparametric Method for the Conservative Estimation of the Proportion of True Null Hypotheses Partial Consistent Normalization Methods of Microarray Data Variance Estimation for Gene-expression Microarray Data Section Computational Biology A Study of Protein Subcellular Localization Prediction Computational Methods for Biomolecular Sequence Comparison Statistical Learning on a Complex Metabolomic Dataset A Flexible Statistical Model for Chromatin Sequences Section General
Methodology Some Advances in Finite Mixture Models Smoothing Spline ANOVA with Heterogeneous Variances and Application to Kernel Estimation in Longitudinal Data with Outcome-related Observation Times A Computable Bound for the Geometric Convergence Rate of the Lasso Gibbs Sampler Brief Introduction of Authors

<<生物统计及生物信息学前沿>>

章节摘录

插图：

<<生物统计及生物信息学前沿>>

编辑推荐

《生物统计及生物信息学前沿(英文版)》由中国科学技术大学出版社出版。

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>