

<<中国特色观赏和药用植物>>

图书基本信息

书名：<<中国特色观赏和药用植物>>

13位ISBN编号：9787503861239

10位ISBN编号：7503861231

出版时间：2011-4

出版时间：中国林业出版社

作者：袁菊红

页数：144

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<中国特色观赏和药用植物>>

内容概要

《中国特色观赏和药用植物：石蒜属植物分类及其研究》对现有的石蒜属植物的研究进展进行归纳总结，在此基础上，通过对中国石蒜属植物进行数量分类、化学分类和分子标记研究，以找到石蒜属大类群划分和物种划分的重要形态性状，帮助广大石蒜属植物爱好者从外部形态上区分常见的石蒜物种，做到既获得知识又有利于交流；且有利于我国石蒜属植物的资源的整理、经典分类方法的完善。

同时，通过对中国境内分布的野生石蒜资源进行引种观察试验、DNA水平分子标记研究，探讨其形态变异大小和DNA遗传多样性丰富程度，可为石蒜野生资源的合理开发利用、物种遗传多样性保护以及培育具有中国自主知识产权的新优石蒜品种奠定基础。

书籍目录

第1章 观赏植物分子系统学研究进展1.1 分子系统学的概念1.2 分子系统学研究的理论基础1.2.1 系统学中三个相关理论1.2.2 分子生物学理论1.3 分子系统学研究内容、方法和基本技术1.3.1 分子系统学研究内容1.3.2 分子系统学研究的方法和基本技术1.3.3 分子系统学研究的一般步骤1.4 DNA分子标记技术在观赏植物研究中的应用1.4.1 DNA指纹技术在观赏植物研究中的应用1.4.2 DNA序列分析技术在观赏植物研究中的应用1.5 分子系统学研究展望第2章 石蒜属植物研究进展2.1 石蒜属种质资源及其开发利用研究2.1.1 石蒜属种质资源研究2.1.2 石蒜属种质资源的开发利用研究2.1.3 存在的问题与建议2.2 石蒜属分子标记研究进展2.3 石蒜属化学成分研究进展2.3.1 石蒜科生物碱类型2.3.2 石蒜属植物的生物碱种类2.3.3 石蒜属植物生物碱含量研究2.3.4 石蒜属生物碱的药理学作用2.3.5 石蒜属生物碱生化合成途径研究2.3.6 石蒜属植物中的非生物碱成分2.3.7 石蒜属化学成分的提取分离与检测方法2.3.8 生物碱在植物化学分类中的作用2.4 石蒜属其他方面的研究2.4.1 细胞学研究进展2.4.2 等位酶研究概况2.4.3 生长发育、生理生态研究进展2.4.4 栽培与繁育技术研究情况2.4.5 孢粉学研究2.5 存在的问题, 本研究的内容、目的和意义第3章 中国原产石蒜属植物数量分类和主成分分析3.1 材料与方法3.1.1 植物材料3.1.2 实验方法与数据处理3.2 结果与分析3.2.1 供试物种的聚类分析3.2.2 性状指标的主成分分析3.3 讨论第4章 应用HPLC图谱进行石蒜属种间关系与分类研究4.1 材料与方法4.1.1 植物材料4.1.2 方法4.2 结果与分析4.2.1 HPLC图谱直观分析4.2.2 HPLC图谱的聚类结果4.3 讨论4.3.1 实验方法的可行性4.3.2 石蒜属种系发生关系探讨4.3.3 HPLC化学图谱的分类学意义第5章 石蒜属叶绿体trnL-F序列的变异与系统聚类分析5.1 材料与方法5.1.1 植物材料5.1.2 研究方法5.2 结果与分析5.2.1 石蒜属植物trnL-F序列特征5.2.2 基于trn L-F序列的石蒜属植物系统重建5.3 讨论5.3.1 trn L-F序列变异位点用于物种鉴别5.3.2 基于trn L-F分子数据的种间关系分析5.3.3 trn L-F分子系统学与经典分类的矛盾第6章 中国石蒜属ISSR分子标记及种间鉴别研究6.1 材料与方法6.1.1 植物材料6.1.2 方法6.2 结果分析6.2.1 引物筛选结果6.2.2 供试物种的多态性6.2.3 遗传距离与聚类分析6.3 讨论6.3.1 石蒜属植物DNA水平的差异6.3.2 ISSR分子标记结果与其他分类结果的异同6.3.3 ISSR分子标记用于石蒜属植物的鉴别第7章 石蒜属不同种间生物碱含量差异性研究7.1 材料和方法7.1.1 材料7.1.2 生物碱含量的测定7.1.3 数据处理7.2 结果与分析7.2.1 供试样品中石蒜碱、力可拉敏和加兰他敏的含量7.2.2 三种生物碱含量的多重比较和相关分析7.3 讨论7.3.1 生物碱含量的种间差异性7.3.2 产地、生长年限和采集时间对生物碱含量的影响第8章 石蒜属植物遗传多样性的ISSR和RAPD分子标记比较研究8.1 材料与方法8.1.1 植物材料及其来源8.1.2 试验方法8.2 结果分析8.2.1 两种分子标记的遗传多态性比较8.2.2 供试材料的遗传分析8.2.3 供试样品的聚类分析8.2.4 两种分子标记的相关性分析8.3 讨论8.3.1 ISSR和RAPD标记实验结果的可靠性与实验条件的稳定性8.3.2 石蒜属4种植物的遗传相似性与遗传差异性8.3.3 石蒜属4种植物的遗传多样性8.3.4 石蒜属植物资源的合理开发利用与遗传多样性保护第9章 石蒜种质资源的数量分类9.1 材料与方法9.1.1 植物材料9.1.2 实验方法9.1.3 数据处理9.2 结果与分析9.2.1 Q聚类结果9.2.2 R聚类结果9.3 讨论9.3.1 石蒜种质资源的形态多样性9.3.2 不同产地的石蒜资源加兰他敏含量的差异性9.3.3 石蒜种内丰富的遗传多样性及其应用第10章 石蒜SRAP扩增体系的建立与优化10.1 材料与方法10.1.1 材料10.1.2 方法10.2 结果分析10.2.1 不同因素对石蒜SRAP-PCR扩增结果的影响10.2.2 石蒜SRAP-PCR扩增体系的验证和确立10.3 讨论10.3.1 影响石蒜SRAP-PCR扩增的因素分析10.3.2 SRAP-PCR产物的检测方法比较10.3.3 SRAP标记用于石蒜居群遗传多样性研究的可行性第11章 利用SRAP标记分析中国野生石蒜的遗传多样性11.1 材料与方法11.1.1 试材及取样11.1.2 SRAP扩增及扩增产物检测11.1.3 数据分析11.2 结果与分析11.2.1 野生石蒜资源SRAP-PCR扩增多态性11.2.2 石蒜资源的遗传相似性和聚类分析11.2.3 种源的遗传多样性与地理、气候资料的相关性分析11.3 讨论本文研究的主要问题及结论1 石蒜属种间亲缘关系及其系统位置探讨2 石蒜属物种的形成与归类3 石蒜种内形态变异和DNA水平遗传多样性研究参考文献缩略语附录 中国石蒜属植物和中国水仙的TRN L-F序列

<<中国特色观赏和药用植物>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>